

CNET 2023
Perpignan, 5th - 7th July 2023

Program

Wednesday, July 5th 2023

12h30 Lunch and Registration

14h15 Welcome and opening remarks

14h30 **Vincent PARISSI**, Laboratoire de Microbiologie Fondamentale et Pathogénicité, UMR5234 CNRS-
Université Bordeaux

«Molecular and cellular basis for host chromatin invasion by retroviral genomes»

15h10 **Josquin DARON**, Interactions Virus-Insectes – Institut Pasteur, Université de Paris Cité, CNRS
UMR2000, Paris

« Atypical landscape of transposable elements in the large genome of *Aedes aegypti* »

15h30 **Mounia EL MESSAOUDI**, Institut de biologie de l'ENS – Département de Biologie, Paris

« Functional consequences of disrupting the epigenetic targeting of transposable elements in
Arabidopsis thaliana »

15h50 Coffee break

16h30 **Yann BOURGEOIS**, IRD, Montpellier

«Studying the population dynamics of transposable elements: new avenues for research »

16h50 **Emmanuelle LERAT**, Laboratoire de Biométrie et Biologie Evolutive, UMR5558 CNRS – Université
Claude Bernard Lyon 1

« Function and conservation of *Drosophila* paralogs in the light of their mobilome
neighborhood »

17h10 **Marie VERNERET**, Infections Virales et Pathologie Comparée - UMR 754 – EPHE, INRAE,
Université Claude Bernard Lyon 1

« A first step towards the characterization of endogenous retroviruses' evolutionary history and
impact on small ruminant genomes »

18h30-20h30 Poster Session / Cheese and local Wine tasting
Salle des Actes

Thursday, 6th July 2023

9h **Thomas WICKER**, Department of Plant and Microbial Biology (IPMB)
University of Zurich

« Repetitive Stories - Analysis of Transposable Elements in Large Genomes »

9h40 **Aurélien DOUCET**, Institut de Recherche sur le Cancer et le Vieillissement – INSERM, CNRS,
Université Côte d'Azur

« Chemical screening to identify inhibitors of human LINE-1 endonuclease activity in cancer and aging »

10h00 Coffee break

10h50 **Guillaume MOISSIARD**, Laboratoire Génome et développement des plantes – UMR5096 CNRS -
Université de Perpignan Via Domitia

« Plant mobile domain proteins ensure *Microrchidia* 1 expression to fulfill transposon silencing »

11h10 **Camille HEISSERER**, Institut de recherche sur la biologie de l'insecte, CNRS UMR7261 –
Université de Tours

« Role of transposable elements in a parasitoid wasp ongoing speciation »

11h30 **Alexander BERGMAN**, Interactions Virus-Insectes – Institut Pasteur, Université de Paris Cité,
CNRS UMR2000, Paris

« Is the siRNA pathway involved in somatic regulation of transposable elements in the mosquito *Aedes aegypti*? »

11h50 **Johann CONFAIS**, Université Paris-Saclay, INRAE, URGI, Versailles

« REPET novelties : a versatile and modular package »

12h10-14h00 Lunch - Salle des actes

14h00 **Chloé GARAMBOIS**, Laboratoire de Biométrie et Biologie Evolutive, Lyon

« Impact of viral infections on transposable element transcripts in *Aedes aegypti* »

14h20 **Zhen LI**, UMR Évolution, Génomes, Comportement et Écologie, Université Paris-Saclay, CNRS,
IRD, Gif-sur-Yvette

« HELA: A fast and accurate tool for Helitron annotation »

14h40 **Abirami SOUNDIRAMOURTY**, Laboratoire Génome et développement des plantes – UMR5096
CNRS -Université de Perpignan Via Domitia

« Transposable element mobility as a motor of genomic variation in Beech trees ? »

15h00 **Tom BONNIFET**, CIRB - Collège de France

« Study of the interactome and expression of the ORF1p protein encoded by LINE-1 retrotransposons in the brain under aging and pathophysiological conditions. »

15h20 Coffee break

16h00 **Round table - Vincent COLOT**, Institut de biologie de l'ENS – Département de Biologie, Paris

« Future prospects of TE research »

19h30-22h30 Gala dinner at the beach (Restaurant « El Pescador » Toreilles beach)

Be careful : Bus departure at 7pm

Friday, 7th July 2023

9h00 **Raul CASTANERA**, Centre for Research in Agricultural Genomics CSIC-IRTA-UAB-UB, Campus UAB, Edifici CRAG, Bellaterra, Barcelona

«Transposon insertions associate with transcriptional variability linked to rice domestication and breeding»

9h40 **Nicolas Gilbert**, Institute for Regenerative Medicine and Biotherapy, IRMB U1183 -INSERM, Montpellier

« TBA »

10h00 **Daniel Siqueira De Oliveira**, Laboratoire de Biométrie et Biologie Evolutive, CNRS UMR5558 CNRS – Université Claude Bernard Lyon 1

« Transposable elements as an evolutionary driving force in cactophilic *Drosophila* species»

10h20 Coffee break

10h50 **Moaine EL BAIDOURI**, Laboratoire Génome et développement des plantes – UMR5096 CNRS - Université de Perpignan Via Domitia

«The Remarkable Ability of Copia Retrotransposons to Cross Plant Species Boundaries Through Horizontal Transfer»

11h10 **Julien VIOT**, UMR1098, RIGHT Interactions Greffon-Hôte-Tumeur/Ingénierie Cellulaire et Génique, INSERM, EFS BFC, University of Bourgogne Franche-Comté, Besançon

« Decoding Human Endogenous Retrovirus Landscape in liver metastatic colorectal cancers: Implications for Diagnosis and Prognosis »

11h30 **Somia SAIDI**, URGI Université Paris-Saclay INRAE, Versailles

« Characterization of Transposable Elements in Pangenomes »

11h50 End of congress.
Announcements about the next ICTE.

Poster session

P1 – **Noemia Morales**, Centre for Research in Agricultural Genomics CSIC-IRTA-UAB-UB, Campus UAB, Edifici CRAG, Bellaterra, Barcelona

« An LTR-retrotransposon insertion associated with longer grains in indica rice »

P2 - **Sennaoui Camelia**, Institute for Regenerative Medicine and Biotherapy, IRMB U1183 -INSERM, Montpellier

« Analyse comparative de l'expression des éléments transposables L1HS par le biais des kmers »

P3 - **Lapaillerie Delphine**, Laboratoire de Microbiologie Fondamentale et Pathogénicité, UMR5234 CNRS-Université Bordeaux

« Cell response to retroviral infection Role of the BRCA1/1 pathway on the regulation of non-integrated and integrated viral DNA »

P4 - **Capuzzi Beatrice**, Institut de Recherche Saint-Louis - Hématologie Immunologie Oncologie - – Université Paris Cité, INSERM U944, CNRS UMR 7212, IRSL, Hôpital St. Louis

« Deciphering the mechanism underlying the non-canonical integration site selection of the Ty1 LTR-retrotransposon of *S. cerevisiae* »

P5 - **Von Grafenstein Klaus**, Institut de recherche en santé, environnement et travail – Université de Rennes, Ecole des Hautes Etudes en Santé Publique, INSERM

« Detection of copy number alteration signal from plasma DNA LINE-1 targeted bisulfite sequencing : towards a tumor burden marker »

P6 - **Bonnet Hélène**, Institut de Recherche Saint-Louis - Hématologie Immunologie Oncologie - – Université Paris Cité, INSERM U944, CNRS UMR 7212, IRSL, Hôpital St. Louis

« Identifying LTR-retrotransposon RNA-protein interactions using Comprehensive Identification of RNA-binding proteins (ChIRP-MS) in *S. cerevisiae* »

P7 - **Sushko Svitlana**, Centre for Research in Agricultural Genomics CSIC-IRTA-UAB-UB, Campus UAB, Edifici CRAG, Bellaterra, Barcelona

« Implementation of pangenome graphs to study rice transposon dynamics »

P8 - **Barois Matteo**, Institut de biologie de l'ENS – Département de Biologie, Paris

« Nanopore targeted sequencing to study transposition and DNA methylation profiles of mobile elements in *Arabidopsis thaliana*. »

P9 - **De Oliveira Louna**, Institut de biologie de l'ENS – Département de Biologie, Paris

« Mode, tempo, and functional consequences of transposable element mobilization in selfing and outcrossing *Arabidopsis lyrata* populations »

P10 - **Campos Dominguez Lucia**, Centre for Research in Agricultural Genomics CSIC-IRTA-UAB-UB, Campus UAB, Edifici CRAG, Bellaterra, Barcelona

« Using pangenomes to elucidate the impact of TEs in the polyploidization and domestication of cotton »

P11 – **Assane Modj**, IRD, Montpellier

« TBA »

P12 – **Stéphane Ronsseray** - Laboratoire de Biologie du développement, UMR7622, IBPS - SU – CNRS

« P elements in *Drosophila willistoni* group species »

P13 - **Anaïs Larue**, Biologie Fonctionnelle, Insectes et Interactions – INSA de Lyon, INRAE

« Contribution of variable TE content on phenotype and plasticity in *Drosophila melanogaster* »